### 2025 年度シラバス

| 科目分類/Subject Categories   |   |                    |  |
|---|---|--------------------|--|
| 学部等/Faculty  /大学院工芸科学研究科(博士前期課程)/大学院工芸科学研究科(博士前期課程): /Graduate School of Science and Technology (Master's Programs)/Graduate School of Science and Technology (Master's Programs) |   | 今年度開講/Availability | /有/有:/Available/Available  |
| 学域等/Field   | /物質・材料科学域/独立専攻:/Academic<br>Field of Materials Science/Fibro/BBM  | 年次/Year            | $/1\sim2$ 年次 $/1\sim2$ 年次: $/1$ st through 2nd Year/1st through 2nd Year |
| 課程等/Program   | /機能物質化学専攻/バイオベースマテリア<br>ル学専攻:/Master's Program of Functional<br>Chemistry/Master's Program of Biobased<br>Materials Science | 学期/Semester        | /第 3 クォータ/第 3 クォータ:/Third<br>quarter/Third quarter                       |
| 分類/Category   | /授業科目/授業科目:/Courses/Courses   | 曜日時限/Day & Period  | /水 2/金 3 : /Wed.2/Fri.3  |

| 科目情報/Course Info  | rmation           |                  |               |                  |                       |
|-------------------|-------------------|------------------|---------------|------------------|-----------------------|
| 時間割番号             | 61913201          |                  |               |                  |                       |
| /Timetable Number |                   |                  |               |                  |                       |
| 科目番号              | 61960009          |                  |               |                  |                       |
| /Course Number    |                   |                  |               |                  |                       |
| 単位数/Credits       | 2                 |                  |               |                  |                       |
| 授業形態              | 講義:Lecture        | 講義:Lecture       |               |                  |                       |
| /Course Type      |                   |                  |               |                  |                       |
| クラス/Class         |                   |                  |               |                  |                       |
| 授業科目名             | タンパク質機能構造:Fun     | nctional Structu | res of Protei | ns               |                       |
| /Course Title     |                   |                  |               |                  |                       |
| 担当教員名             | /北所 健悟:KITADOKO   | RO Kengo         |               |                  |                       |
| / Instructor(s)   |                   |                  |               |                  |                       |
| その他/Other         | インターンシップ実施科       | 国際科学技術:          | コース提供         | PBL 実施科目 Project | DX 活用科目               |
|                   | 目 Internship      | 科目 IGP           |               | Based Learning   | ICT Usage in Learning |
|                   |                   | 0                |               |                  |                       |
|                   | 実務経験のある教員によ       |                  |               |                  |                       |
|                   | る科目               |                  |               |                  |                       |
|                   | Practical Teacher |                  |               |                  |                       |
| 科目ナンバリング          | M_FC5712          |                  |               |                  |                       |
| /Numbering Code   |                   |                  |               |                  |                       |

#### 授業の目的・概要 Objectives and Outline of the Course

日 タンパク質の階層構造を理解し、個々のタンパク質の現象に対して、その立体構造に基づいて機能との相関を論じることが 出来ることを目標とする。

X線構造解析を用いたタンパク質の立体構造の決定を概説した後、種々のタンパク質の構造一機能相関を詳述する。また e-ラーニングシステムを用いて授業の理解度を深める

The goal is to understand the hierarchical structure of proteins and to be able to discuss the correlation between the phenomena of individual proteins and their functions based on their three-dimensional structure.

After outlining the determination of the three-dimensional structure of proteins using X-ray structure analysis, the structure-function correlations of various proteins will be described in detail. Also, use the e-learning system to deepen the understanding of the lesson.

### 学習の到達目標 Learning Objectives

日 タンパク質の階層構造を理解する。 タンパク質の立体構造を理解する。 タンパク質の 2 次構造の特徴を理解する。 タンパク質の構造と機能の相関を理解する。 タンパク質の立体構造決定法を理解する。 英 Understanding of the hierarchical structure of proteins. Understand the three-dimensional structure of proteins. Understand the characteristics of protein secondary structure. Understanding of the relationship between protein structure and protein function. Understand how to determine the conformation of proteins.

| 学習 | 学習目標の達成度の評価基準 / Fulfillment of Course Goals(JABEE 関連科目のみ) |  |  |  |
|----|---|--|--|--|
| 日  |   |  |  |  |
| 英  |   |  |  |  |

| 授業記 | 計画項                           | 頁目 Course Plan                               |   |
|-----|-------------------------------|--|---|
| No. |                               | 項目 Topics                                    | 内容 Content  |
| 1   | 日                             | タンパク質の構造の基礎                                  | タンパク質の階層構造を理解する。  |
|     | 英 Basics of protein structure |  | Understand the hierarchical structure of proteins.                                |
| 2   | 日                             | タンパク質の構造決定法(1)                               | X 線構造解析を用いたタンパク質の立体構造決定。  |
|     | 英                             | Protein structure                            | Determining the three-dimensional structure of proteins using X-ray structure     |
|     |                               | determination method (1)                     | analysis.   |
| 3   | 日                             | タンパク質の構造決定法(2)                               | Cryo-電子顕微鏡による構造決定法を学ぶ   |
|     | 英                             | Protein structure                            | Learn the structure determination method using an Cryo-electron microscope        |
|     |                               | determination method (2)                     |   |
| 4   | 日                             | タンパク質のデータベースの                                | タンパク質のデータベースの使用及び活用方法を学ぶ  |
|     |                               | 使用法  |   |
|     | 英                             | How to use the protein                       | Learn how to use and utilize protein databases                                    |
|     |                               | database                                     |   |
| 5   | 日                             | タンパク質の構造予測<br>                               | 分子動力学法による構造シミュレーション。<br>  |
|     | 英                             | Protein structure prediction                 | Protein structure prediction  |
| 6   | 日                             | タンパク質の立体構造を表記                                | Pymol を用いたタンパク質の立体構造表記とプログラム使用方法を学ぶ   |
|     |                               | するためのプログラム                                   |   |
|     | 英                             | A program for describing the                 | Learn the three-dimensional structure notation of proteins using Pymol and how to |
|     |                               | three-dimensional structure of               | use the program   |
| 7   |                               | a protein                                    | いい、メイン、様々を持つない。。な所のは他   |
| 7   | 日                             | タンパク質の特徴的構造 1<br>Characteristic structure of | α ドメイン構造を持つタンパク質の特徴   |
|     | 英                             | protein 1                                    | Characteristics of proteins with $ lpha$ -domain structure                        |
| 8   | 日                             | タンパク質の特徴的構造 2                                | lpha/eta ドメイン構造を持つタンパク質の特徴  |
|     | 英                             | Characteristic structure of                  | Characteristics of proteins with $lpha/eta$ -domain structure                     |
|     |                               | protein 2                                    |   |
| 9   | 日                             | タンパク質の特徴的構造 3                                | β ドメイン構造を持つタンパク質の特徴   |
|     | 英                             | Characteristic structure of                  | Characteristics of proteins with $eta$ -domain structure                          |
|     |                               | protein 3                                    |   |
| 10  | 日                             | タンパク質のドメイン構造の                                | タンパク質のドメイン構造と機能の相関について学ぶ  |
|     |                               | まとめ<br>                                      |   |
|     | 英                             | Summary of protein domain                    | Learn about the correlation between protein domain structure and function         |
|     |                               | structure                                    |   |
| 11  | 日                             | DNA に結合するタンパク質の                              | DNA と DNA に結合するタンパク質の相互作用をデータベースを使って学ぶ  |
|     |                               | 特徴を学ぶ  |   |
|     | 英                             | Characteristics of proteins                  | Learn the interaction between DNA and proteins that bind to DNA using a database  |
| 1.0 |                               | that bind to DNA                             | 6. 0.655.041.1.1.1.1.1.1.1.1.1.1.1.1.1.1.1.1.1.1                                  |
| 12  | 日                             | タンパク質の結晶化<br>                                | タンパク質の結晶化方法を学ぶ  |
|     | 英                             | Protein crystallization                      | Learn how to crystallize proteins   |

| 13 | 日 | 結晶学的特性(空間群と対称性)                               | タンパク質の結晶学的特性である空間群と対称性について学ぶ  |  |
|----|---|---|---|--|
|    | 英 | Crystallographic properties                   | Learn about space groups and symmetry, which are the crystallographic properties of |  |
|    |   | (space group and symmetry)                    | proteins  |  |
| 14 | 日 | 構造解析(重原子法と分子置換 タンパク質の構造決定法である重原子法と分子置換法について学ぶ |   |  |
|    |   | 法)  |   |  |
|    | 英 | Structural analysis (heavy                    | Learn about heavy atom method and molecular replacement method, which are           |  |
|    |   | atom method and molecular                     | protein structure determination methods   |  |
|    |   | replacement method)                           |   |  |
| 15 | 日 | データベースによる構造予測                                 | 各種データベースを利用したタンパク質の立体構造の予測方法について学ぶ  |  |
|    | 英 | Structure prediction by                       | Learn how to predict the three-dimensional structure of proteins using various      |  |
|    |   | database                                      | databases   |  |

| 履修 | 履修条件 Prerequisite(s) |  |  |  |
|----|----------------------|--|--|--|
| 日  |                      |  |  |  |
| 英  |                      |  |  |  |

### 授業時間外学習(予習·復習等)

### Required study time, Preparation and review

日 全面オンライン授業で実施する。

情報科学センターの Moodle システムを用いて講義内容の情報を提供する。

なお関連した動画なども載せてあるので参考にすること。

英 Classes will be held entirely online.

Information on the content of the lecture will be provided using the Moodle system of Center for Information Science.

Please refer to the related videos as well.

# 教科書/参考書 Textbooks/Reference Books

日 テキスト:ヴォート「基礎生化学」、D.Voet et al.,(田宮ら訳)東京化学同人

参考書:ストライヤー「生化学」、Merz et al.,「ドラッグデザイン」東京化学同人。

英 Text: Voet "Basic Biochemistry", D. Voet et al., (Translated by Tamiya et al.) Tokyo Kagaku Dojin

References: Strayer "Biochemistry", Merz et al., "Drug Design" Tokyo Kagaku Dojin.

## 成績評価の方法及び基準 Grading Policy

- 日 学生に対する評価 中間試験の成績(40%)と、授業中に課す課題とレポートの結果(60%)に応じて評価し、その合計点が 60 点以上を合格とする。
- 英 Grading will be based on the results of a midterm exam (40%) and the results of in-class assignments and reports (60%). A total of 60 points or more is considered a passing grade.

| 留意 | 留意事項等 Point to consider |  |  |
|----|-------------------------|--|--|
| 日  |                         |  |  |
| 英  |                         |  |  |